

## Objektverwaltung in BioOffice 3

### Bestimmungshistory

Sobald eines der folgenden Bestimmungsfelder verändert wird, werden die alten Einträge in der Bestimmungshistory abgespeichert

- Bestimmer des Objekts als ausgeschriebener Text (objDetIdContact/int) -> dhiDetContact
- Datum der Bestimmung (objDetDate/date) -> DetDate
- Ergebnis ( Name des Taxon ) -> dhiDetResult
- Kommentar zur Bestimmung (objDetComments/256) -> DetComments
- Methode (objDetMethod/50) -> DetMethod
- Offene Nomenklatur (Kürzel für Unsicherheitsfaktor bei der aktuellen Taxonzuordnung) (objDetCf/50) -> DetCf
- Qualität (objDetAccuracy/50) -> DetAccuracy
- Zitat (Die Literatur muss in der Attached-Literatur erfasst werden mit der Spezifikation 'Determinations Literatur') (objDetIdReference/int) -> DetLiterature
- aktuelles Taxon (objDetIdTaxon/int) -> Name des Taxon !!

Früher ( vor 2019 ) existierte das Feld Ergebnis (objDetResult) welches aber dem aktuellen Taxonnamen entspricht, also redundant ist.

### Datum Sammelvorgang

Zur Erfassung des Sammelvorganges hat es ein Datum von und ein Datum bis.

Ist nur ein Datum bekannt, sollte das Feld Datum bis leer bleiben ( BioOffice wird die Daten gelb markieren wenn die Daten identisch sind )

Wenn sich der Sammelvorgang mehr wie ein Tag dauerte, kann dies in den beiden Feldern erfasst werden und BioOffice wird diese Daten grün markieren.

# BioOffice 3

Durch die farbliche Kennzeichnung kann in der Übersichtsliste das bis Datum ausgeblendet werden. Sobald ein Datum grün ist, weiss man, dass es auch ein bis Datum gibt.